## ・论著・

# SLCO1B1 521 T>C 和 APOE 基因多态性对阿托伐他汀调脂疗效及安全性的影响

刘艳辉, 董婧, 陆燕, 卢曼, 丁云鹤, 李文艳(上海市浦东新区公利医院药剂科, 上海 200135)

[摘要] 目的 研究缺血性脑卒中伴血脂异常患者 SLCO1B1 521 T>C 和 APOE 基因多态性对阿托伐他汀临床疗效及 安全性的影响。方法 收集上海市浦东新区公利医院 2018 年 4 月至 2018 年 12 月收治的缺血性脑卒中伴血脂异常的患者 210 例,测定纳入患者 SLCO1B1 521 T>C 和 APOE 基因多态性,给予阿托伐他汀 20 mg/d 口服进行降脂或调脂治疗,于治疗前和治疗后 3 个月测定其 TC、TG、HDL-C、LDL-C 水平来评价疗效,测定 TBil、ALT、AST、CK 水平,以及根据不良反应来评价安全性。结果 SLCO1B1 521 T>C 的基因型分布为 TT 79.05%, TC 19.05%, CC 1.90%; APOE 基因的 E2、E3、E4等位基因频率分别为 14.28%、67.62%、18.10%,各基因型符合 Hardy-Weinberg 平衡定律。服药 3 个月后,APOE 不同基因型患者 TC、TG、LDL-C、HDL-C 变化有显著性差异(P<0.01)。各项安全性指标未发现明显异常。SLCO1B1 521 T>C 突变组肌痛发生率高于野生组,有显著性差异(P<0.01)。结论 APOE 基因多态性影响阿托伐他汀的调脂疗效,患者 SLCO1B1 521 T>C 基因可能与阿托伐他汀肌痛不良反应相关。检测 SLCO1B1 和 APOE 基因分型有助于血脂个体化治疗,为药物治疗管理患者他汀类药物合理使用提供依据。

[关键词] SLCO1B1; APOE; 基因多态性; 阿托伐他汀; 调脂药; 不良反应

[中图分类号] R541.4 [文献标志码] A [文章编号] 1006-0111(2021)03-0245-04

**[DOI]** 10.12206/j.issn.1006-0111.202012013

# Effects of SLCO1B1 521 T>C and APOE gene polymorphisms on lipid-lowering efficacy and adverse reactions of atorvastatin

LIU Yanhui, DONG Jing, LU Yan, LU Man, DING Yunhe, LI Wenyan (Department of Pharmacy, Shanghai Pudong New Area Gongli Hospital, Shanghai 200135, China)

[Abstract] Objective To study the effect of SLCO1B1 521 T>C and APOE gene polymorphisms on the clinical efficacy and safety of atorvastatin in ischemic stroke patients with dyslipidemia. Methods 210 cases of ischemic stroke with dyslipidemia were enrolled from April 2018 to December 2018 to determine SLCO1B1 521 T>C and APOE gene polymorphisms. Patients received atorvastatin 20 mg/d orally. TC, TG, HDL-C, LDL-C levels were measured to evaluate the efficacy 3 months pre-and post-treatment. TBil, ALT, AST, CK levels were assayed with following up adverse reactions to evaluate safety. Results SLCO1B1 521 T>C genotype distribution was TT79.05%, TC19.05%, CC1.90%. E2, E3, E4 allele frequencies of APOE genes were 14.28%, 67.62%, 18.10%. Each genotype conforms to the law of Hardy-Weinberg balance. After three months of medication, there were significant differences in TC, TG, LDL-C, HDL-C changes in patients with different APOE genotypes. No obvious abnormality was found in safety index. The incidence of myalgia in SLCO1B1521 T>C mutant group was significantly higher than that in the wild group (*P*<0.01). Conclusion Lipid regulation of atorvastatin was affected by APOE gene polymorphism. SLCO1B1521 T>C may be associated with myalgia, the adverse reaction of atorvastatin. The detection of SLCO1B1 and APOE genotyping is helpful for individualized treatment of blood lipids and provides basis for rational use of statins in patients for drug therapy management.

[Key words] SLCO1B1; APOE; gene polymorphism; atorvastatin; lipid regulating agents; adverse drug reactions

[基金项目] 上海市临床药学重点专科建设项目(区属)经费资助(2018); 上海市浦东新区卫生和计划生育委员会临床药学重点学科项目 (PWZxk2017-13)

[作者简介] 刘艳辉,硕士,副主任药师,研究方向:临床药学,Email: mzyyyjk@sina.com

[通信作者] 李文艳, 硕士, 主任药师, 硕士生导师, 研究方向: 中药新药和临床药学, Email: liwenyan\_linda@163.com

目前,脑卒中、冠心病等心血管病(cardiovascular disease, CVD)是造成我国居民死亡和疾病负担的首要病因[1]。有研究预测, 2010—2030 年间我国成年人血清胆固醇水平的升高将会造成心血管病事件增加 920 万例,预示未来中国成年人血脂异常及相关疾病负担将继续加重[2]。以低密度脂蛋白胆固醇(LDL-C)或总胆固醇(TC)升高为特点的血脂异常是缺血性脑卒中的重要危险因素,血清胆固醇水平升高与缺血性卒中的发生密切相关[3]。降低LDL-C水平,可显著减少其发病及死亡危险[4]。阿托伐他汀(atrovastatin)为亲水性羟甲基戊二酰辅酶 A 还原酶(HMG-CoA)抑制剂,临床用于降脂和调脂治疗,但其疗效和不良反应具有明显的个体差异性,考虑可能与患者的基因多态性有关。

以往他汀药物基因多态性研究多以高血脂症患者为研究对象,而对心血管疾病极高危和高危人群研究较少,且用药后观察时间较短,一般不超过2个月。笔者研究缺血性脑卒中伴血脂异常患者的 SLCO1B1、APOE 基因多态性及阿托伐他汀用药3个月后疗效、不良反应的相关性,从遗传变异角度评价药物疗效的临床差异,以期为阿托伐他汀的临床长期用药提供参考。

#### 1 材料与方法

#### 1.1 研究对象

选取上海市浦东新区公利医院 2018年4月至2018年12月收治的缺血性脑卒中伴血脂异常患者。纳入标准:①符合2016年修订的《中国血脂异常防治指南》血脂异常诊断标准;②入院前3个月内服用过他汀类及其他调脂类(如贝特类、烟酸类、依折麦布等)。排除标准:①肝、肾功能不全者;②严重感染、恶性肿瘤、甲状腺和血液系统等疾病患者;③患者未进行规律服药及复查,临床记录不完整的患者。入选患者共210例,男132例(62.86%),女78例(37.14%),平均年龄(67.29±12.49)岁。

#### 1.2 实验方法

### 1.2.1 SLCO1B1 和 APOE 基因分型的检测

入选患者首次服药前空腹抽取外周静脉血 2 ml 置于 eDTA 抗凝管中,采用磁珠法提取全血 DNA,提取好的基因组 DNA 在-20 °C 下储存;采用 PCR 技术扩增特定基因片段: PCR 系统包括: 2 μl 基因组 DNA, 25 mmol/L 脱氧核糖核苷三磷酸(dNTPs), 1  $\mu$ mol/L 引物, 25 mmol/L 镁离子( $Mg^{2+}$ ), 5  $U/\mu$ l PCR DNA 聚合酶,总反应体积为

5 μl。PCR 反应参数为循环参数: 95 °C 2 min, (95 °C 30 s, 60 °C 30 s, 72 °C 60 s)45 个循环, 72 °C 5 min, 4 °C 保温。7 μl 的纯化 PCR 产物进行单碱基延伸反应, 反应参数为: 94 °C 30 s, [94 °C 5 s, (52 °C 5 s, 80 °C 5 s)该步骤 5 个循环 ]40 个循环, 72 °C 3 min, 4 °C 保温。运用飞行时间质谱法进行包括 SLCO1B1 521T>C( rs4149056) 与 APOE 526C> T(rs429358)、388T>C(rs7412)的基因分型检测。

#### 1.2.2 疗效及安全性指标检测

入选患者首次服用阿托伐他汀 20 mg/d 前及 服药 3 个月后, 空腹采集全血标本 2 ml, 全自动生 化仪测定疗效指标血清 TC、TG、HDL-C 和 LDL-C,以及安全性指标总胆红素(TBil)、谷丙转氨酶 (ALT)、碱性磷酸酶(ALP)、肌酸激酶(CK)水平。 收集患者服药期间患者肌痛的发生情况,包括肌钝 痛、酸痛,四肢及远端压痛,运动时或之后即刻痛性 痉挛等不良反应。其中,他汀类相关肌病(SAM)诊 断标准为①肌痛: 肌组织疼痛或无力, 但 CK 水平 无明显升高。②肌炎: 肌组织有疼痛症状, CK 水平 轻-中度升高但小于正常值上限5倍。③横纹肌溶 解: 肌组织有明显疼痛症状, CK 水平超过正常上 限 5 倍及以上、褐色尿及肌红蛋白尿合并急性肾功 能衰竭[5]。追踪纳入的 210 例患者长期服用阿托伐 他汀期间不良反应的主诉情况,并排除重体力劳动 和长期剧烈运动对患者的影响。

#### 1.2.3 统计学分析

采用 SPSS 22.0 统计软件对观察指标的结果进行分析,连续变量以( $\bar{\chi}$ +s)表示,通过  $\chi^2$  检验验证 SLCO1B1 和 APOE 各基因型分布是否符合 Hardy-Weinberg 平衡, P>0.05 代表该基因型已经在本群体中达到遗传平衡。计量资料符合正态分布采用( $\bar{x}$ +s)表示,组间均数比较采用方差分析,以P<0.05 为差异有统计学意义。

#### 2 结果

# 2.1 基因型多态性频率的 Hardy-Weinberg H-W 遗传平衡检验

采用直接计数法统计基因型, 计算各位点等位基因频率。SLCO1B1 521 T>C 在缺血性脑卒中伴血脂异常患者中,等位基因型频率为 11.43%, SLCO1B1 521T>C 基因型分布符合 Hardy-Weinberg 平衡定律( $\chi^2$ =0.73, P=0.39), P>0.05 表明本研究人群具有群体代表性。APOE 基因型分布符合 Hardy-Weinberg 平衡定律( $\chi^2$ =0.61, P=0.43), P>0.05 表明本研究人群具有群体代表性,各基因型分布见表 1。

表 1 缺血性脑卒中伴血脂异常患者 SLCO1B1 和
APOE 各基因型频率

基因型		野生型 纯合型	突变 杂合型	突变 纯合型 (CC)	等位基因 (频率/%)	
		(TT)	(TC)		T	C
SLCO1B1	521 T>C	166 (79.05)	40 (19.05)	4 (1.90)	372 (88.57)	48 (11.43)
APOE	526 C>T			3 (1.43)	376 (89.52)	44 (10.48)
	388 T>C	5 (2.38)	28 (13.33)	177 (84.29)	38 (9.05)	382 (90.95)

### 2.2 APOE 基因多态性及等位基因频率分布

APOE 基因表型 E3 组(e3/e3、e2/e4)最高,占 67.62%; E2 组(e2/e2、e2/e3)占 14.28%; E4 组(e3/e4、e4/e4)占 18.10%,详见表 2。

表 2 缺血性脑卒中伴血脂异常患者 APOE 基因分型及频率

基因分型	等位基因	数量(例)	合计(例)	频率(%)
E2	e2/e2(TT/TT)	5	30	14.28
	e2/e3(TT/CT)	25		
E3	e3/e3(TT/CC)	139	142	67.62
	e2/e4(TC/TC)	3		
E4	e3/e4(CT/CC)	35	38	18.10
	e4/e4(CC/CC)	3		
合计		210	210	100

#### 2.3 APOE 基因与他汀类药物疗效的相关性分析

用药后 APOE 不同基因型患者 TG、TC、HDL-C、LDL-C 变化率均有显著性差异(P<0.01),见表 3。 经组间比较,TC 值降低幅度和 HDL-C 升高幅度 E3 优于 E2、E4(P<0.01),TG 和 LDL-C 值降低幅度 E2、E3 优于 E4(P<0.01)。

表 3 APOE 基因不同分型阿托伐他汀治疗 3 个月后血脂水平 变化率比较 (x±s)

APOE分型	血脂水平变化率(%)				
	TC	TG	HDL-C	LDL-C	
E2(n=30)	-5.14±43.07	-10.33±20.52	-3.66±17.97	-15.93±24.38	
E3( <i>n</i> =142)	-22.06±10.95	-10.54±6.08	10.75±7.31	-17.85±6.39	
E4(n=38)	-7.30±13.12	5.86±24.18	-0.38±15.50	-5.85±16.27	
F	15.3615	22.0550	29.8886	13.6252	
P	< 0.01	< 0.01	< 0.01	< 0.01	

# 2.4 患者 SLCO1B1 基因多态性对阿托伐他汀安 全性影响

两组患者 TBil、ALT、ALP 的变化率差异无统 计学意义(P>0.05),(TC+CC)组较 TT 组能显著升 高 CK, 有统计学意义(P<0.01),见表 4。

表 4 患者 SLCO1B1 基因多态性对阿托伐他汀 安全性影响 (x±s)

组别	安全性指标变化(%)				
111.77	TBil	ALT	ALP	CK	
TT(n=166)	30.06±25.83	36.27±50.22	23.68±42.32	8.39±32.28	
TC+CC( <i>n</i> =44)	22.62±31.01	20.36±45.22	35.49±54.63	28.62±29.66	
P	>0.05	>0.05	>0.05	< 0.05	

#### 2.5 服药后安全性

纳入的 210 例患者中, 共有 10 例患者表示出现不同程度的肌痛症状, 其中, 8 例患者为SLCO1B1 突变型(CT+CC), 2 例为 SLCO1B1 野生型(TT型), 两组肌痛发生率有显著性差异(P<0.01), 见表 5。

表 5 有肌痛症状和无肌痛症状组患者携带 SLCO1B1 基因型情况

基因位点	基因型	无肌痛	肌痛
SLCO1B1( <i>n</i> =210)	TT(n=166)	164	2
	TC+CC( <i>n</i> =44)	36	8
合计		200	10

#### 3 讨论

阿托伐他汀, 3-羟基-3-甲基-戊二酰(HMG)-CoA 还原酶抑制剂,不仅被广泛用于治疗高胆固醇血症,在动脉粥样硬化性心血管疾病(ASCVD)一级和二级预防中亦能显著降低心血管事件风险。但在临床实践中,阿托伐他汀的降脂效果,以及药物不良反应个体差异较大,这可能与基因遗传学方面有关,而 SLCO1B1 和 APOE 则是 2 个重要基因。

有机阴离子转运体 OATP1B1 是 SLCO1B1 基 因编码蛋白,主要存在于人体肝脏的基底膜外侧, 负责将多种内源性和外源性物质由血液转运至肝 细胞内。阿托伐他汀需经 OATP1B1 主动摄取进 入肝细胞,从而发挥降血脂的作用。目前发现 SLCO1B1 具有很高的遗传变异性, 尤其是 521T> C位点突变使 OATP1B1 转运功能下降,降低了肝 细胞内药物浓度,而升高体循环中的药物浓度,此 时可能导致肌肉损伤等毒副作用。BAI 等分析了 758 例服用阿托伐他汀后出现 SAM 的患者,发现 SLCO1B1521 T>C 突变与高他汀类相关肌病 (SAM)风险显著相关(R=1.741,95%CI:1.180~ 2.568, P=0.005)<sup>[6]</sup>。王婧等<sup>[7]</sup> 研究认为, SLCO1B1 基因 388A>G 对阿托伐他汀降脂效果无显著影 响。本研究发现, SLCO1B1 基因 521 T>C TC/CC 组有 18.18% 患者出现肌痛症状, 与 TT 组相比差

异有统计学意义,这可能与患者体内阿托伐他汀药物浓度升高有关。因此,SLCO1B1基因 521 T>C增大了患者发生肌病的风险,对于有 SLCO1B1521 T>C等位基因突变的患者,建议临床使用时降低他汀类药物剂量或更换他汀类品种。

APOE 是一种蛋白质,在脂质体内平衡中起着 关键作用, 因为它调节血液和大脑中的胆固醇, 甘 油三酸酯和磷脂代谢。ApoE蛋白的产生受 APOE 基因的控制,针对该基因可识别 3 个不同的 等位基因: ε2, ε3 和 ε4。APOE 位于乳糜微粒、高 密度脂蛋白(HDL)、中密度脂蛋白(IDL)和极低密 度脂蛋白(VLDL)的表面。APOE 基因调节该蛋白 的表达,并具有3个不同的等位基因: £2, £3和 ε4<sup>[8]</sup>。张字等<sup>[9]</sup>报道,经阿托伐他汀治疗后,APOE 基因型 e3/e3 患者的血脂水平及 APOE 基因表达 的下调程度均高于 e3/e4 型患者。Kirac 等[10] 研究 发现, 经阿托伐他汀治疗后, 对 APOE 基因 e2 携带 者的降脂作用最强, e4 突变型患者主要见于无效组 中。本研究中,患者经阿托伐他汀治疗后,APOE E4 等位基因携带者对阿托伐他汀降脂治疗不敏 感,故此类型患者可采用非他汀类调脂药物治疗。

综上所述,本研究发现 APOE 基因型影响阿托 伐他汀降脂效果,而 SLCO1B1521 T>C 基因型与 增加肌病的风险相关。药师在开展药物治疗管理 时,可通过相应的基因多态性检测评估患者疗效和 出现肌病的风险,合理选择降脂药物品种和剂量, 提高临床用药的有效性和安全性,实现个体化用 药。因本研究病例数有限,后续还需多中心、大样 本、前瞻性研究等临床试验进一步验证。

#### 【参考文献】

[1] 中国心血管病风险评估和管理指南编写联合委员会. 中国心

- 血管病风险评估和管理指南[J]. 中国循环杂志, 2019, 34(1): 4-28
- [2] MORAN A, GU D F, ZHAO D, et al. Future cardiovascular disease in China: Markov model and risk factor scenario projections from the coronary heart disease policy model-China [J]. Circ Cardiovasc Qual Outcomes, 2010, 3(3): 243-252.
- [3] 脑卒中防治系列指导规范编审委员会. 中国缺血性脑卒中血 脂管理指导规范[J]. 实用心脑肺血管病杂志, 2015, 23(4):
- [4] BAIGENT C, KEECH A, KEARNEY PM, et al. Efficacy and safety of cholesterol-lowering treatment: prospective meta-analysis of data from 90, 056 participants in 14 randomised trials of statins [J]. Lancet, 2005, 366: 1267-1278.
- [5] 何瑞, 徐志猛, 王来, 等. 他汀相关肌肉症状的研究进展[J]. 药学进展, 2020, 44(4): 303-312.
- [6] BAI X, ZHANG B, WANG P, et al. Effects of SLCO1B1 and GATM gene variants on rosuvastatin-induced myopathy are unrelated to high plasma exposure of rosuvastatin and its metabolites [J]. Acta Pharmacol Sin, 2019, 40(4): 492-499.
- [7] 王婧, 赵帅, 王建欣. 缺血性脑卒中患者SLCO1B1和APOE基因多态性对阿托伐他汀疗效和安全性的影响[J]. 中国医院药学杂志, 2020, 40(16): 1749-1754.
- [8] CHOUINARD-WATKINS R, PLOURDE M. Fatty acid metabolism in carriers of apolipoprotein E epsilon 4 allele: is it contributing to higher risk of cognitive decline and coronary heart disease? Nutrients, 2014, 6(10): 4452-4471.
- [9] ZHANG Y, WEI DD, YUAN R, et al. Effects of APOE gene polymorphismon the efficacy of the atorvastatin in the treatment of hyperlipidemia[J]. Natl Med J China(中华医学杂志), 2017, 97(4); 291-294.
- [10] KIRAC D, BAYAM E, DAGDELEN M, et al. HMGCR and APOE mutations may cause different responses to lipid lowering statin therapy[J]. Cell Mol Biol (Noisy-le-grand), 2017, 63(10):43-48.

[ 收稿日期 ] 2020-12-21 [ 修回日期 ] 2021-03-01 [ 本文编辑 ] 李睿旻

#### (上接第239页)

- [30] 臧晶. 大豆异黄酮类成分对去卵巢大鼠脂类代谢的影响及机制初探[D]. 北京: 北京中医药大学, 2003.
- [31] 高敬国. 熊果酸对非酒精性脂肪肝大鼠肝脏的保护作用及机制[J]. 中药药理与临床, 2016, 32(2): 27-31.
- [32] 曾璐. 基于肝脂肪变性HepG2细胞模型探讨护肝清脂片主要成分对脂质代谢的影响及可能机制[D]. 广州: 南方医科大学, 2015.
- [33] 李土坤. 多烯磷脂胆碱联合葛根素对非酒精性脂肪肝患者血清IL-6、IL-8、TNF-α水平的影响[J]. 社区医学杂志, 2015, 13(8): 48-49.
- [34] GANBOLD M, OWADA Y, OZAWA Y, et al. Isorhamnetin alleviates steatosis and fibrosis in mice with nonalcoholic steatohepatitis [J]. Sci Rep, 2019, 9: 16210.

[ 收稿日期 ] 2020-06-12 [ 修回日期 ] 2020-07-13 [本文编辑 ] 李睿旻